

一枚の組織切片から複数の情報レイヤーを得られます！

# Stereo-seq™ FFPE

## ローンチキャンペーン

2025年

10/31(金)

受注分まで

通常希望価格

1,600,000 円



992,000

円 (税込)

### Stereo-seq FFPE :

空間トランск립トーム解析における Stereo-seq の利点である高解像度かつ広い解析エリアはそのままに、FFPE 組織切片の解析が可能になりました。

新たに開発された Stereo-seq FFPE 用チップは、位置情報バーコードと効率よく RNA をキャプチャーするランダム配列のプローブがナノスケールでスポットされており、mRNA だけでなく lncRNA や細菌由来の RNA も組織上での検出を可能にします。従来の空間トランск립トーム解析に加え、ノンコーディング RNA の組織における機能解析や細菌叢と細胞の相互作用といった新たなトランск립トーム解析を実現させます。

### MiRXES Genomics :

Stereo-seq 受託サービスの公式認定プロバイダー第1号として多数の実績を築いています。日本人スタッフが詳細な技術紹介や実験計画のご相談を承ります。またサンプルブロックからの切片切り出しから NGS 解析までを専門トレーニングを受けたスタッフが実施し、取得したデータのバイオインフォマティクス解析は最新の解析法をカバーしている熟練のスタッフがサポートいたします。切片調製からバイオインフォマティクス解析まで、弊社内での end-to-end サービスを提供しています。



mRNA、lncRNA、  
Microbial RNA の  
網羅的な位置情報を  
含めた解析

- 全 RNA を対象とするランダム配列プローブを使用
- すべての生物種が解析対象



1 細胞より詳細な  
ナノスケールスポットの  
解析チップを使用

- 220 nm の高密度スポットサイズ
- 1 細胞 (100 μm² 換算)あたり  
400 スポットの解像度



経験に基づいた  
さまざまなサンプル  
処理技術

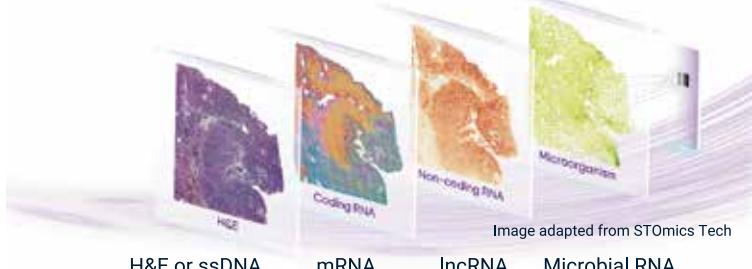
- 多数の組織や生物種での解析実績
- 解析用の切片上で核染色または H&E 染色を行うことが可能



経験豊富なバイオイン  
フォマティクスチームの  
サポート体制

- 事前相談で最適なご提案
- ニーズに応じたデータ解析  
サポート

一枚の組織切片から複数の情報レイヤーを得られます。



この機会にぜひ高解像度の空間  
トランск립トーム解析  
Stereo-seq FFPE 受託サービス  
をお試しください

# Stereo-seq™ FFPE ローンチキャンペーン キャンペーン情報

Under 100万円!!

注文番号 : SVCG1551

サービス名 : 1 cm x 1 cm chip PE100 Stereo-seq Full Service (> 1B reads)

通常希望価格 ¥1,600,000 を

税込

¥992,000

(¥901,818+ 税) でご提供!

1 ユーザー様 4 チップ (サンプル) までの限定価格です。

## サンプル

対応チップ  
サイズおよび  
推定データ量

## シーケンサー

## 概算納期

## 納品物

## 納品方法

FFPE  
(ホルマリン固定  
パラフィン包埋)  
サンプル\*

1 cm x 1 cm  
(30 億 raw reads)

DNBSEQ-T7

切片のチップ  
マウント完了時点  
から 4-6 週

FASTQ ファイル、  
バーコード情報  
及び QC レポート  
等

Amazon AWS  
経由でデータ納品

- 注 \* 弊社では FFPE サンプル以外にも、凍結組織サンプルの解析も承っております。詳細はお問い合わせください。  
・ご送付いただくサンプルの種類や内容によってはお受けできない場合、または追加料金がかかる場合がございます。お問い合わせください。  
・実際のデータ量はサンプルの品質により異なることがございます。

- サンプルのシンガポールへの発送に伴う諸費用はお客様でご負担ください。
- Amazon AWS 設定・データ保管などに伴う諸費用は価格に含まれておりません。
- 本キャンペーンは予告なしに終了する可能性がございます。

## バイオインフォマティクス解析サポート

### 1 次解析パッケージ

(キャンペーン費用に含まれています)

- FastQ Files
- Stained Tissue Image(s)
- Barcode to Position Mapping File
- QC Statistics

### 2 次解析パッケージ

(要追加料金、推奨)

- QC statistics and Spatial Barcodes Maps
- Sequence Alignment Maps
- Gene Count Matrix

\*データマッピングソフト「STEREO-MAP」に表示するためのデータ変換含む

### 3 次解析パッケージ

(要追加料金、ご相談ください)

#### Host and microbial

- Spatial Gene Expression Cluster Analysis
- Spatial Copy Number Variation
- Trajectory Inference
- Cellular Neighbourhood Analysis
- Co-localization Analysis
- Many other options upon request!

MiRXES Japan 株式会社  
[mirxesjapan.com](http://mirxesjapan.com)

〒100-0005 東京都千代田区丸の内 1-8-3

丸の内トラストタワー本館 20 階

お問い合わせ先 <https://mirxesjapan.com/contact/>

販売代理店